Installation

devtools::install\_github("timat35/Rcan", ref = "dev", subdir="Rcan")

WARNING: Rtools is required to build R packages, but is not currently installed.

Please download and install Rtools 3.5 from http://cran.r-project.org/bin/windows/Rtools/.

\* DONE (Rcan)

In R CMD INSTALL

Warning messages:

1: In untar2(tarfile, files, list, exdir) :

skipping pax global extended headers

2: In untar2(tarfile, files, list, exdir) :

skipping pax global extended headers

Ca n’a pas d’importance car ensuite le package sera sur CRAN

(donc pas besoin de Rtools par exemple)

add levels for ICD and LABEL

* Dans un fichier « ICD\_group\_file » s’il y a un doublon pour un ICD group indiqué de la manière suivante:

|  |  |  |
| --- | --- | --- |
| ICD | LABEL |  |
| C00-14 | ORAL\_PHARYNX | |
| C15 | OESOPHAGUS | |
| C16 | STOMACH | |
| C17 | OTHER |  |
| C18,C19,C20,C21 | COLORECTUM | |
| C19 | COLORECTUM | |
| C22 | LIVER |  |

Alors la fonction génère une table de données dans laquelle les cas de C19 sont comptés deux fois.

Et ce même si le label pour le doublon est différent :

|  |  |  |
| --- | --- | --- |
| ICD | LABEL |  |
| C00-14 | ORAL\_PHARYNX | |
| C15 | OESOPHAGUS | |
| C16 | STOMACH | |
| C17 | OTHER |  |
| C18,C19,C20,C21 | COLORECTUM | |
| C19 | SIGMOID |  |